

15
YIL

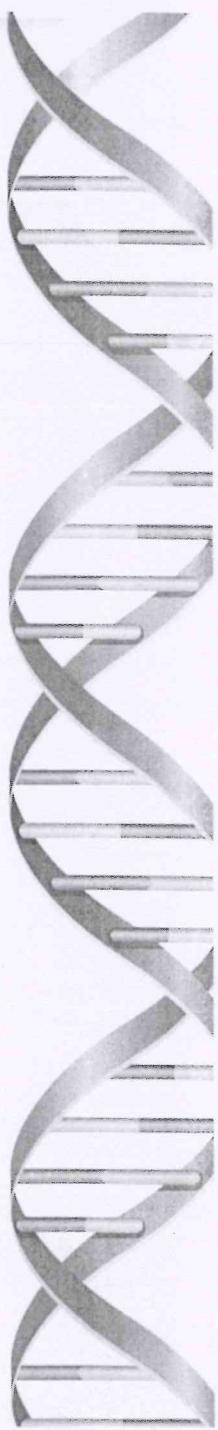
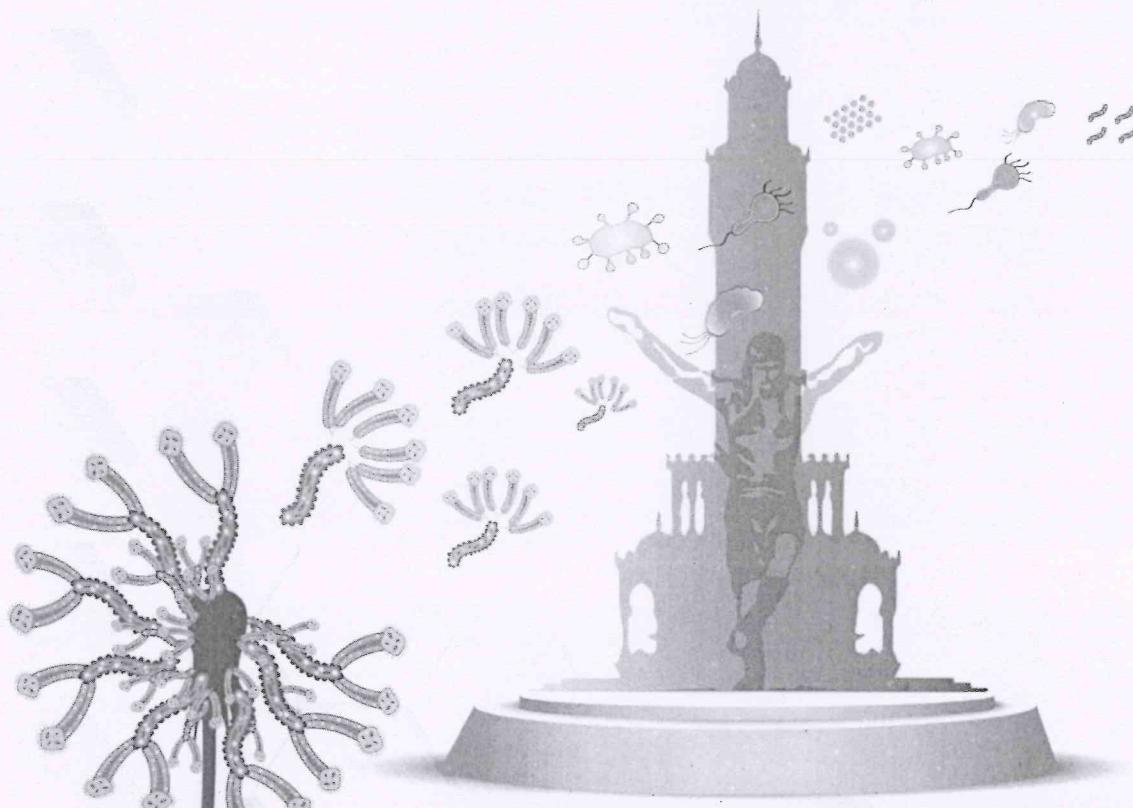


5. ULUSAL KLINİK MİKROBİYOLOJİ KONGRESİ

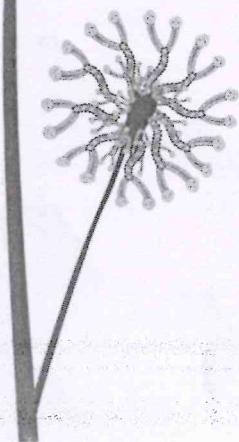
Tepekuile Kongre ve Sergi Merkezi Bayraklı - İZMİR

› 28 Ekim 2019 - 01 Kasım 2019

www.klimud2019.org



KONUŞMA ÖZETİ VE BİLDİRİ KİTABI



HEPATİT C VİRÜS (HCV) GENOTİPLERİNİN "REVERSE HYBRİDİSATION STRİP ASSAY" VE DNA DİZİ ANALİZİ YÖNTEMLERİYLE ARAŞTIRILMASI

Pelin Özmen^{1,2}, Selma Gökahmetoğlu²

¹Kapadokya Üniversitesi, Kapadokya Meslek Yüksekokulu, Nevşehir, TÜRKİYE

²Erciyes Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Kayseri, TÜRKİYE

Amaç: Kronik HCV hastalarında tedavi öncesi döneme yapılan genotip tayini, tedavinin süresi ve kalıcılığında önemli bir belirteçtir. Bu çalışmada "Reverse Hybridisation Stripe Assay" ile saptanın genotip ve subtiplerin, dizi analizi yöntemiyle karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı Viroloji laboratuvarına gelen hastalardan, HCV RNA düzeyleri 10^4 IU/ml ve yukarı olan kronik HCV'li 153 hasta çalışmaya dahil edildi. HCV genotip tayini viroloji laboratuvarında ters hibridizasyon temeline dayanan ticari HCV-TS test kiti (LIPA, NLM analytica, İtalya) ile yapıldı. Hastaların HCV genotipleri dizi analizi yöntemiyle ABI Prism 3500 GA cihazında Erciyes Üniversitesi GENKÖK Merkezinde araştırıldı. HCV'nin NS5B gen bölgesinde 340 bp'lik kısım, "nested PCR" yöntemi ile çoğaltıldıktan sonra elde edilen PCR ürünlerinin dizi analizi işlemi gerçekleştirildi.

Bulgular: LIPA yöntemiyle çalışılan 153 hastanın %44'ünde Gn 1b ve %20,3'tünde Gn1a saptanırken daha düşük oranlarda Gn2, Gn 2b, Gn 2a/c, Gn 3, Gn 3a, Gn4, Gn 4a, Gn 4c/d, Gn 4h ve Gn5 görülmüş olup, aynı hastaların dizi analizi yöntemiyle %57,5'inde Gn1b, %12,4'ü Gn 4d ve %7,8'i Gn 1a olarak bulunmuştur.

Sonuç: LIPA ile Gn1a bulunan örneklerin %71'inin dizi analizi yöntemiyle Gn 1b bulunmuş olması dikkati çekmektedir. Ayrıca 2 örnekte, LIPA yönteminde elde edilen sonuçlarla dizi analizi yöntemi sonuçları karşılaştırıldığında genotip düzeyinde de farklılıklar olduğu ortaya çıkmıştır (%1,3). HCV enfeksiyonu tedavisi, HCV genotipine göre belirlendiği için ülkemizde rutin laboratuvarlarda sıkılıkla çalışılan LIPA yönteminde elde edilen sonuçların dizi analizi yöntemiyle uyumsuz olması çok önemli olup, bu sonuçların daha fazla sayıda örnek içeren çalışmalarla desteklenmesi gerekiği kanaatine varıldı.

Anahtar Kelimeler: HCV, genotip, LIPA, dizi analizi

Tablo 1. HCV genotip/subtip tayininde LIPA ve dizi analizi yöntemleriyle elde edilen sonuçların karşılaştırılması

LIPA	Dizi Analizi								Toplam
	1a	1b	2a	2b	2k	3a	4a	4d	
1a	9	22							31
1b	3	64				1			68
2			1						1
2b				2					2
2a/c		9	1	1					11
3					2				2
3a					12				12
4		1			1	1	6		9
4a							1		1
4c/d		1				1	11		13
4h							1		1
5							2		2
Toplam	12	88	10	3	1	16	2	19	153